

SORVEGLIANZA VIROLOGICA DELL'INFLUENZA

21 Febbraio 2007

ITALIA

Casi di identificazione e/o isolamento virale sono stati riportati durante l'ultima settimana di sorveglianza, prevalentemente riferibili a virus appartenenti al tipo A. In particolare, tra i 119 campioni raccolti nell'ultima settimana, sono stati identificati e/o isolati 27 virus A, di cui 15 appartenenti al sottotipo H3, 2 al sottotipo H1 e 10 ancora in fase di sottotipizzazione.

Nella tabella di seguito riportata, vengono riassunti i dati globali della sorveglianza, ottenuti dall'inizio della stagione influenzale (sett. 46-06) ad oggi (sett. 07-07). Vengono inoltre riportate le raccomandazioni dell'OMS per la composizione del vaccino antinfluenzale per la stagione 2007-2008 (Emisfero Nord).

	settimane														TOT
	46	47	48	49	50	51	52	1	2	3	4	5	6	7	
FLU A		1		1	2	5	5	14	27	66	92	103	74	27	417
A not subtyped								2	2	16	24	35	16	10	105
A/H3N2				1	1	3	3	6	17	30	47	56	48	15	227
A/H1N1		1			1	2	2	6	8	20	21	12	10	2	85
FLU B		2					1	1	1	5		2	1		13
TOT CAMPIONI POSITIVI		3		1	2	5	6	15	28	71	92	105	75	27	430

N.B. Le apparenti discrepanze rispetto alla tabella della settimana scorsa sono dovute agli aggiornamenti conseguenti ad approfondimenti nelle analisi diagnostiche (tipo/sottotipo).

Raccomandazioni dell'OMS per la composizione del vaccino antinfluenzale per la stagione 2007-2008 (Emisfero Nord)

Viene riportata, qui di seguito, una breve sintesi di quanto discusso nell'incontro svoltosi a Ginevra il 16 Febbraio 2007.

NUOVA COMPOSIZIONE VACCINALE PER LA STAGIONE 2007/08

A/Solomon Islands/3/06 (H1N1) – like virus	Nuova variante
A/Wisconsin/67/05 (H3N2) – like virus	Presente anche nel vaccino 2006/07
B/Malaysia/2506/04 – like virus	Presente anche nel vaccino 2006/07

Il nuovo vaccino conterrà, dunque, una nuova variante antigenica (**A/Solomon Islands/3/06**) del sottotipo A/H1N1 (che sostituirà il ceppo A/New Caledonia/20/99, contenuto nel vaccino della presente stagione).

Le decisioni relative al mantenimento ovvero sostituzione dei ceppi vaccinali sono basate sulle analisi di caratterizzazione antigenica e genetica degli isolati virali, forniti dalla rete dei Centri Nazionali afferenti al Network mondiale.

In sintesi:

A/H1N1

Sulla base delle analisi antigeniche, effettuate con il test HI, molti virus A/H1N1, isolati tra Ottobre 2006 e Gennaio 2007 nell'Emisfero Nord, sono risultati antigenicamente correlati al ceppo vaccinale A/New Caledonia/20/99. Tuttavia, una percentuale via via crescente di isolati ha mostrato una maggiore omologia antigenica e molecolare (fig. 1) con il nuovo ceppo **A/Solomon Islands/3/06**, come riportato anche nella tabella che segue.

Tale tabella è stata acquisita direttamente dal sito dell'OMS:

<http://www.who.int/csr/disease/influenza/20078anorthreport.pdf>.

Tra i ceppi rappresentativi inseriti nell'analisi antigenica è compreso il ceppo **A/Parma/11/06**, isolato nella 52^a settimana dell'anno 2006 da un paziente di 46 anni.

Table 1 Results of haemagglutination-inhibition tests of influenza A(H1N1) viruses with postinfection ferret sera

Antigens	A/New Caledonia/20/99	A/Solomon Islands/3/2006	A/Hong Kong/2652/2006	A/Fukushima/141/2006
A/New Caledonia/20/99	640	80	80	320
A/Solomon Islands/3/2006	40	320	320	640
A/Hong Kong/2652/2006	40	320	640	2560
A/Fukushima/141/2006	160	320	640	2560
Recent Isolates				
A/Canada/1204/2006	640	80	80	nd ^a
A/Kentucky/15/2006	640	80	80	Nd
A/Madagascar/2649/2006	320	<40	40	80
A/Morocco/229/2006	320	40	40	80
A/Fujian-G/1387/2006	20	640	320	nd
A/Maryland/9/2006	40	320	640	nd
A/Norway/22879/2006	<40	160	320	1280
A/Parma/11/2006	<40	320	640	1280
A/Taiwan/7854/2006	40	160	160	nd
A/Thailand/6955/2006	40	320	640	nd

^a nd, not determined

A/H3N2

Sebbene alcuni virus A/H3N2 isolati in quest'ultima stagione risultino geneticamente distinguibili dal ceppo vaccinale A/Wisconsin/67/05 (fig. 2), le analisi di caratterizzazione sierologica non hanno evidenziato l'emergenza di varianti antigeniche sufficientemente diverse dal ceppo vaccinale A/Wisconsin/67/05, la cui presenza nel vaccino della prossima stagione è stata confermata.

B

Virus influenzali di tipo B appartenenti ai due diversi lineaggi, Victoria- e Yamagata-like, hanno continuato a co-circolare anche durante la presente stagione influenzale, in diversi Paesi. La maggior parte dei virus risulta antigenicamente e geneticamente correlata al ceppo vaccinale B/Malaysia/2506/04, appartenente al lineaggio B/Victoria. Pertanto tale ceppo è stato confermato nella nuova composizione vaccinale 2007-2008.

Fig. 1 Relazioni filogenetiche relative al dominio HA1 dell'emagglutinina di virus influenzali A/H1N1 isolati in Italia nella presente stagione 2006/07 e di virus di riferimento disponibili in GenBank. L'analisi filogenetica è stata eseguita presso l'ISS, utilizzando il metodo Kimura 2 per il calcolo delle distanze genetiche e l'algoritmo Neighbor-Joining per la costruzione degli alberi filogenetici.

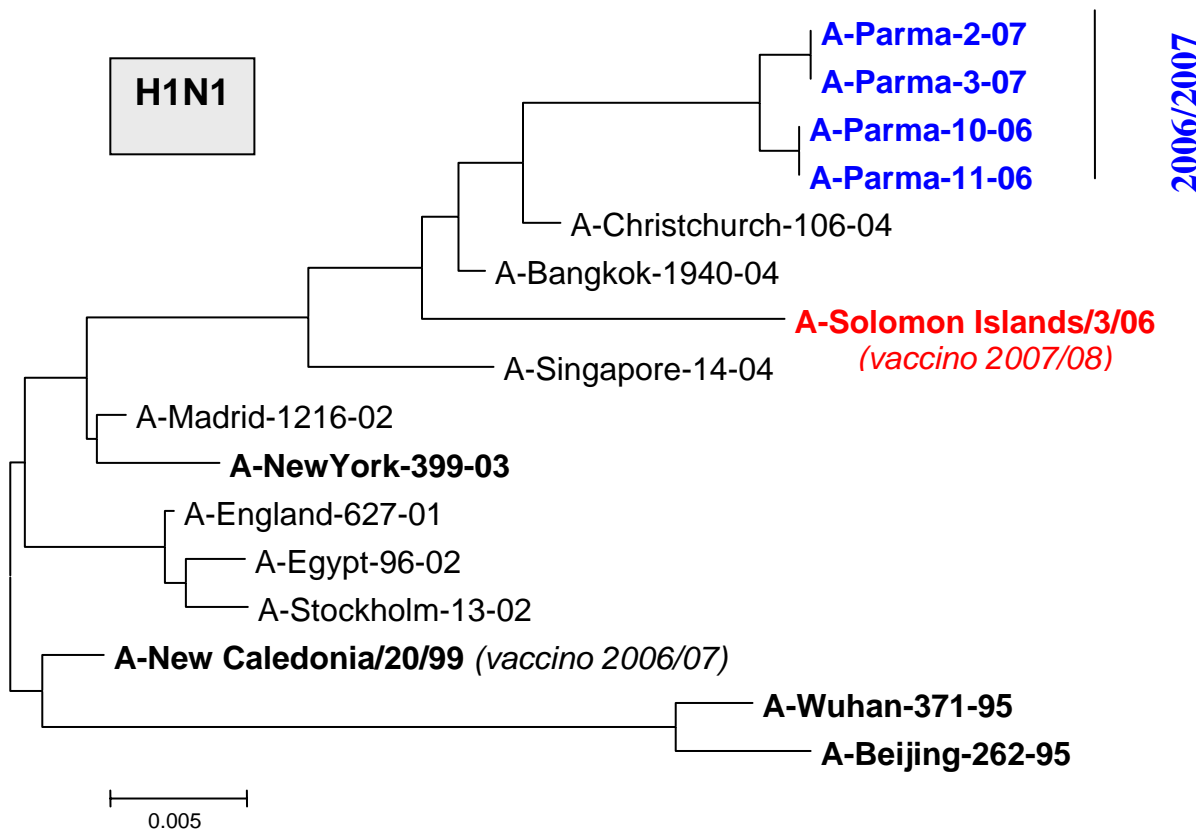
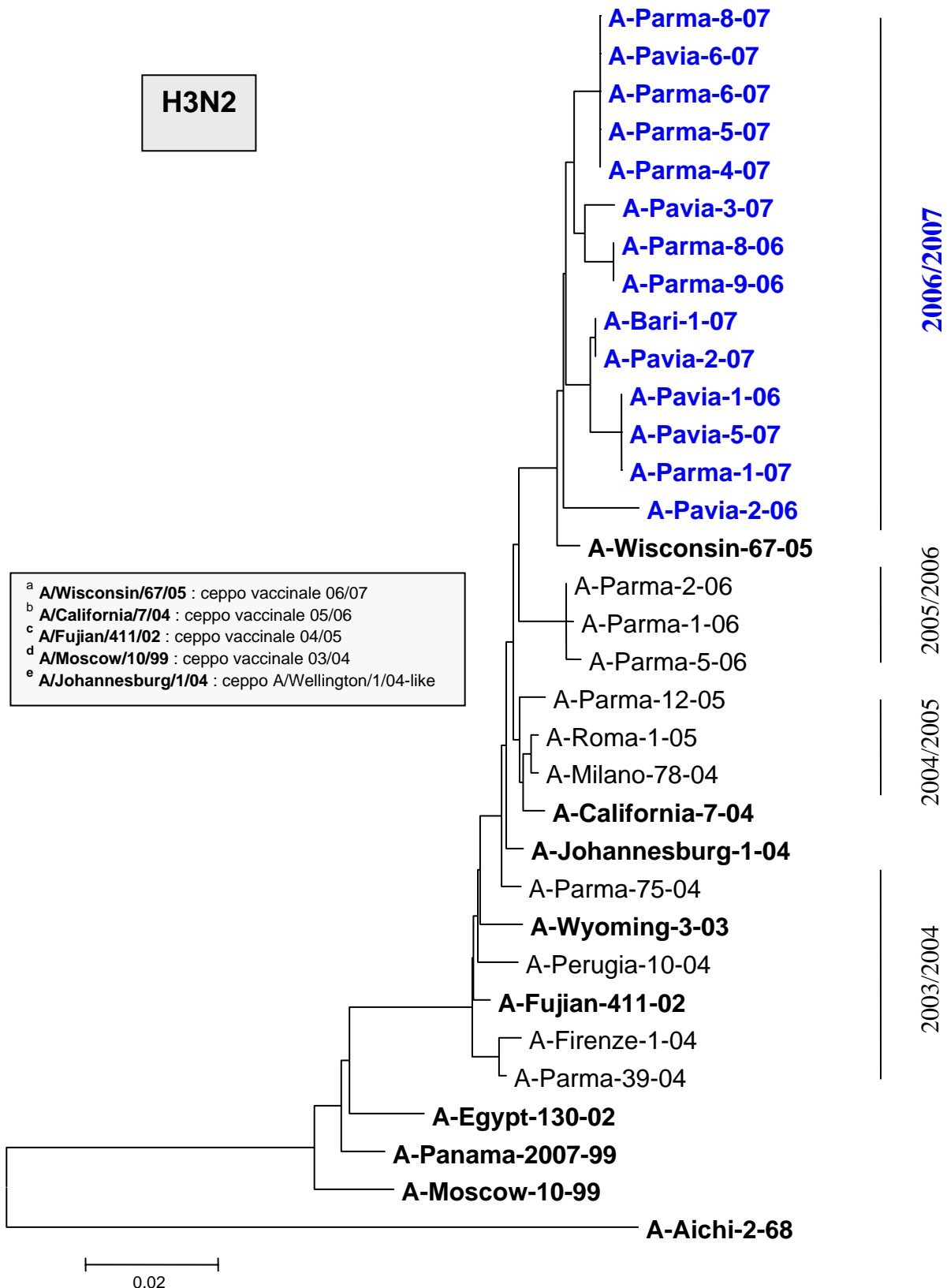


Fig. 2 Relazioni filogenetiche relative al dominio HA1 dell'emagglutinina di virus influenzali A/H3N2 isolati in Italia nella presente stagione 2006/07 e nelle tre passate stagioni influenzali. L'analisi filogenetica è stata eseguita presso l'ISS, utilizzando il metodo Kimura 2 per il calcolo delle distanze genetiche e l'algoritmo Neighbor-Joining per la costruzione degli alberi filogenetici.



NOTIZIE dal MONDO

Europa

La circolazione dei virus influenzali è in aumento nella maggior parte dei paesi Europei. Una circolazione particolarmente sostenuta viene riportata in Lussemburgo e Svizzera e potrebbe ancora aumentare nelle prossime settimane. Di contro Scozia e Grecia hanno segnalato una diminuzione della circolazione dei virus influenzali in quanto, tra i primi paesi a segnalare epidemie influenzali dall'inizio della stagione di sorveglianza. I virus di sottotipo A/H3N2 continuano ad essere prevalenti.

Per ulteriori informazioni è possibile consultare i seguenti siti:

<http://www.eiss.org/index.cgi>

<http://www.grog.org/>

USA

La circolazione dei virus influenzali continua a registrare un incremento. Il 26,9% dei campioni raccolti è risultato positivo al virus influenzale. I virus appartenenti al tipo A sono al momento prevalenti, anche se in nell'ultima settimana la circolazione dei virus B ha registrato un sostanziale aumento.

Per ulteriori informazioni è possibile consultare il sito:

<http://www.cdc.gov/flu/>